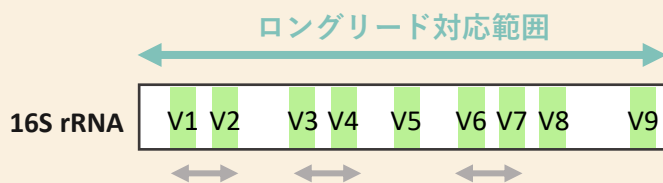
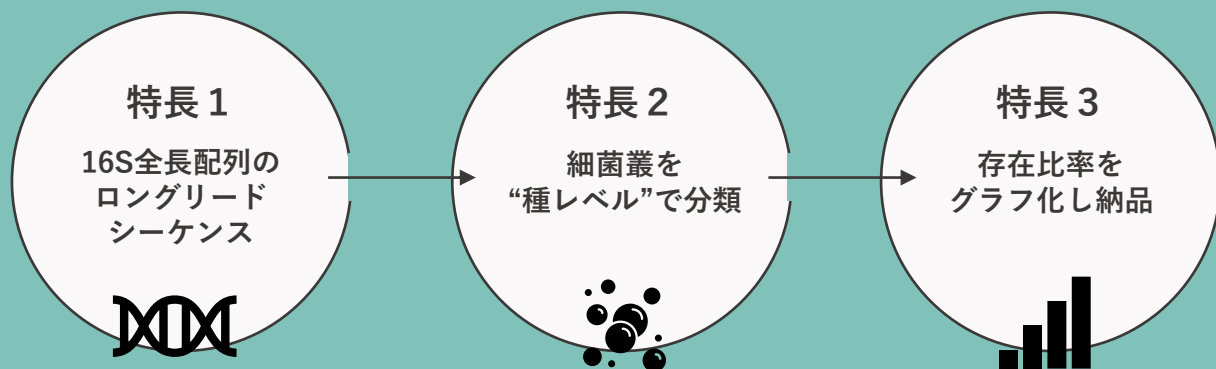


～ロングリードメタゲノム解析サービス～
16S rRNAアンプリコン解析



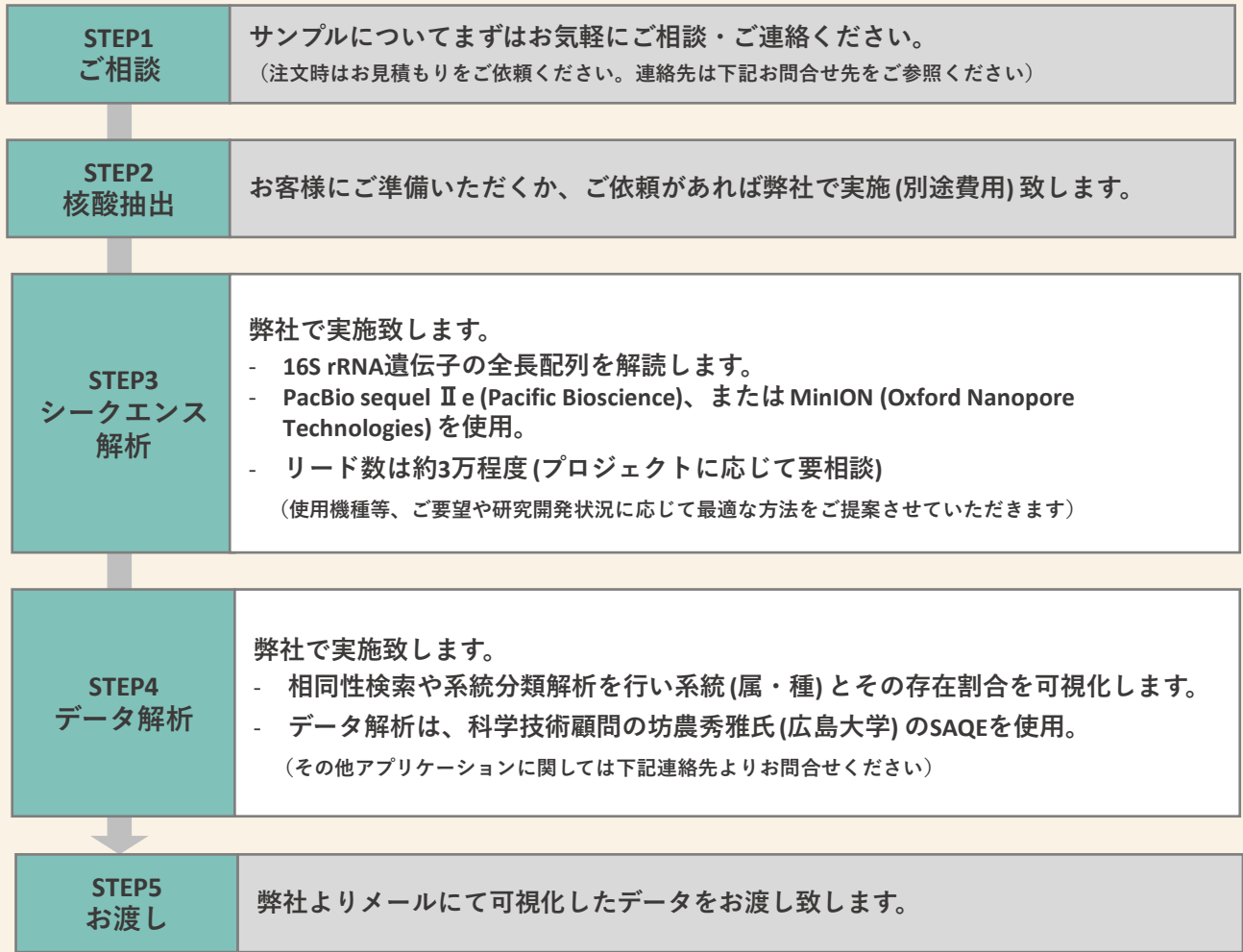
試料中に存在する多様な細菌叢を、次世代型シーケンス技術 (PacBio sequel II e/MinION) と独自の解析手法 (SAQE*) を用いて同定・分類します。 *弊社科学技術顧問である坊農秀雅氏 (広島大学) 開発技術



16S rRNA 遺伝子全長配列をロングリードで読み取るにより、ショートリードで読み取るよりも確実な種レベルでの分類を可能にしています。



■ ご注文の流れ



■ 納品物イメージ



■ 納期と価格

内容に応じて要相談

- DNA抽出は別途費用3万円/サンプル
- ポリュームディスカウント有

(例) 24サンプル、DNA抽出依頼なし、MinION使用の場合
納期: 約1週間、価格: 8万円/サンプル

【初回限定】コンサルティング面談2回分無料!!

■ お問合せ先

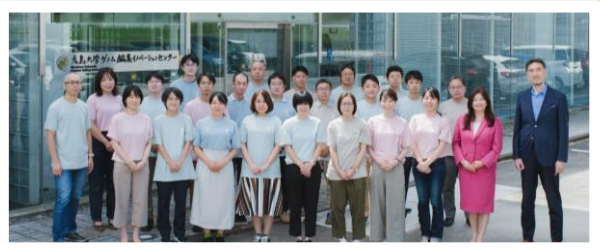


プラチナバイオ株式会社
サービス担当

E-mail: service@pt-bio.com

弊社HPの問い合わせフォームからも
受け付けております。

プラチナバイオ株式会社



“ゲノム編集とバイオDXでミライを拓く”をビジョンに掲げ

▶産業利用に最適な「ゲノム編集」技術

▶生物機能を最大限引き出す「バイオDX」技術を駆使して、人類が直面する
社会課題を解決する革新的な製品・サービスを開発・提供します。